

FIG 3A

T 1 MAISISAMSFGTSVSSYSCFRARSEKSSVLCNSQNPCRFNSVFP.IRKSDGASRCSVSR
P 1 MAISISAMSFRTSVSS.....SY..SAFLCNSKNPFCLNSLFS.LRNSHRTFQPSLSR
A 1 MA.AISGISSGTLTIS.....RPLVTLRRSRAAVSYSSSHRLLHHLPLSSRLLLR
consensus

1 MA ISamS T S L S S lr 1 R

T 60 KSCRVRATLLQENEEVVVEKSFAPKSFDPNVGGGSNGKPPDDSSS.NGLEKWVIKLEQS
P 51 KSSRV RATLLKENEEVVVEKSFAPKSFPGNVGGGNNGEPPDNSSS.NGLEKWVIKIEQS
A 51 NNHRVQATILQDDEEKVVVEESFKAEL...TSTGTEPLEEPMSSSSTSASFETWIIKLEQG
consensus

61 RV ATIL e EE VVVE SF G P SSS g E WvIKiEQ

T 119 VNILLTDSVIKILDTLYHNRNYARFFVLETIARVPYFAFISVLHMYESFGWRRADYMKV
P 110 VNIFLTDSVIKILDTLYHDRHYARFFVLETIARVPYFAFISVLHLYESFGWRRADYLVK
A 108 VNVFLTDSVIKILDTLYRDRTYARFFVLETIARVPYFAFMSVLHMYETFGWRRADYLVK
consensus

121 VNi LTDSVIKILDTLYh R YARFFVLETIARVPYFAFiSVLHLYEsFGWRRADYLVK

T 179 HFAESWNEMHHLLIMEELGGNAWWFDRFLAQHIAIFYFMTVLMYALSPRMAYHFSECVE
P 170 HFAESWNEMHHLLIMEELGGNAWWFDRFLAQHIAVFYFMTVSMYALSPRMAYHFSECVE
A 168 HFAESWNEMHHLLIMEELGGNSWWFDRFLAQHIATFYFMTVFLYILSPRMAYHFSECVE
Consensus

181 HFAESWNEMHHLLIMEELGGN WWFDRFLAQHIA FYYFMTV mY LSPRMAYHFSECVE

T 239 SHAYETYDKFIKDQGEELKNLPAPKIAVDYYTGGDLYLDFDEFQTSREPNTTRPKIDNLYD
P 230 HHAYETYDKFIKDQEAELKKLPAPKIAVSYYTGGDLYLDFDEFQTSREPNTTRPKIDNLYD
A 228 227 SHAYETYDKFLKASGEELKNMPAPDIAVKYYTGGDLYLDFDEFQTSRTPNTRRPVIENLYD
Consensus

241 HAYETYDKFiK ELK lPAP IAV YYTGGDLYLDFDEFQTSR PNTRRP IdNLYD

T 299 VFMNIRDDEAEHCKTMKACQTHGSLRSPHTD.PCDDSEDDTGCSVP.QADCIGIVDCIKK
P 290 VFMNIRDDEAEHCKTMKACQTHGSLRSPHTN.PCDESEDDPGCSVP.QADCVGIVDCITK
A 287 287 VFMNIRDDEAEHCKTMRACQTLGSLRSPHSILDDDDTEEESGCVVPEEAHCEGIVDCILKK
Consensus

301 VfmNIRDDEAEHCKTMkACQT GSLRSPHT DdsEdd GC VP A C GIVDCi K

B
FIG 3_A (suite)

T 357 SVTDTQVTKR

P 348 SVADPNVGRR

A ³⁴⁸
~~347~~ SITS.....

Consensus

361 Sv